

2026

Validation structures for sequence variants of uncertain significance in hereditary cancer.

Lucas MC, Keßler T, Benet-Pagès A, Holinski-Feder E, Laner A, Klink B.

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/41807735/>

Repeat-associated ataxias in a German patient cohort analysed by targeted parallel long-read sequencing.

Erdmann H, Schaub A, Lucas MC, Scholz V, Benet-Pages A, Becker K, Dineiger C, Mayer V, van Buren I, Breithausen E, Akbari K, Cordts I, Sauer M, Schneider C, Krakowsky R, Schnabel F, Dunker K, Fabritius L, Gerb J, Grabova D, Möhwald K, Näher M, Steinmetz K, Thiessen F, Jäck A, Schneider-Gold C, Zittel S, Petersen C, Schreyer I, Mämecke L, Wilfling S, Wunderlich G, Brenner D, Hellenbroich Y, Muhle K, Huchtemann T, Claus I, Klopstock T, Strupp M, Levin J, Höglinger G, Huppert D, Becker-Bense S, Filippoulos F, Kilpert F, Leitão E, Kaya S, Depienne C, Schöberl F, Neuhann T, Holinski-Feder E, Zwergal A, Abicht A.

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/40898875/>

2025

Improving genetic diagnosis of hereditary tumor syndromes: From expanded gene panels to functional genomics.

Sauer M, Lucas MC, Prokosch V, Keßler T, Risch T, Laner A, Henkel J, Benet-Pagès A, Hallermayr A, Steinke-Lange V, Holinski-Feder E, Klink B.

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/41347847/>

A series of reviews in familial cancer: genetic cancer risk in context variants of uncertain significance in MMR genes: which procedures should be followed?

Lucas MC, Keßler T, Scharf F, Steinke-Lange V, Klink B, Laner A, Holinski-Feder E.

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/40317406/>

Umfassende Charakterisierung des D4Z4-Repeatarrays mittels Long-Read-Sequenzierung für eine präzise Diagnostik der Fazioskapulohumeralen Muskeldystrophie.

Scharf F, Erdmann H, Lucas MC, Gehling S, Benet-Pagès A, Schäfer J, Hallermayr A, Schönrock V, Köhler U, Neuhann T, Holinski-Feder E, Walter M, Schoser B, Abicht A.

Nervenheilkunde 2025; 44(03): 168-169. DOI: [10.1055/s-0044-1801528](https://doi.org/10.1055/s-0044-1801528)

Die Ränder des diagnostischen Spektrums der FSHD – Komplexe genetische Befunde in der Diagnostik der Fazioskapulohumeralen Muskeldystrophie (FSHD) und ihre Implikation für das molekulargenetische Modell der Erkrankung.

Erdmann H, Gehling S, Scharf F, Lucas MC, Kleefeld F, Becker K, Schönrock V, Saak A, Schäfer J, Neuhoff S, Hagenacker T, Porrmann J, Rausch HW, Schirmer L, Berking AC, Neuhann T, Holinski-Feder E, Walter M, Schoser B, Abicht A.

Nervenheilkunde 2025; 44(03): 143. DOI: [10.1055/s-0044-1801447](https://doi.org/10.1055/s-0044-1801447)

2024

Updated Structure of CNBP Repeat Expansions in Patients With Myotonic Dystrophy Type 2 and Its Implication for Standard Diagnostics.

Wendlandt M, Erdmann H, Rost S, Lucas MC, Becker K, Kleinle S, Timmer M, Bier A, Wunderlich G, Wenninger S, Walter MC, Neuhann T, Schoser B, Holinski-Feder E, Abicht A.

<https://pubmed.ncbi.nlm.nih.gov/39703464/>

Parallel in-depth analysis of repeat expansions: an updated Clin-CATS workflow for nanopore R10 flow cells.

Scholz V, Schönrock V, Erdmann H, Prokosch V, Schoedel M, Almus M, Sauer M, Mayer V, Breithausen E, van Buren I, Dineiger C, Heintz C, Hallermayr A, Neuhann T, Holinski-Feder E, Abicht A, Benet-Pagès A, Lucas MC. bioRxiv 2024.11.05.622099; doi: <https://doi.org/10.1101/2024.11.05.622099>